

Rec'd PCT/PTO 28 DEC 2004

PCT/JPO3/08244
10/519559

12.08.03

日 本 国 特 許 庁
JAPAN PATENT OFFICE

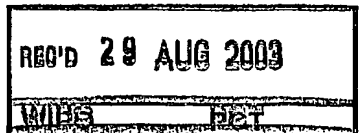
別紙添付の書類に記載されている事項は下記の出願書類に記載されている事項と同一であることを証明する。

This is to certify that the annexed is a true copy of the following application as filed with this Office.

出 願 年 月 日
Date of Application: 2002年 6月28日

出 願 番 号
Application Number: 特願2002-191386
[ST. 10/C]: [JP2002-191386]

出 願 人
Applicant(s): 科学技術振興事業団

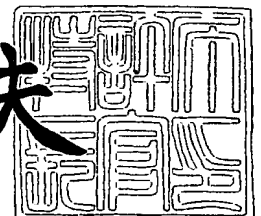


PRIORITY DOCUMENT
SUBMITTED OR TRANSMITTED IN
COMPLIANCE WITH
RULE 17.1(a) OR (b)

2003年 8月 5日

特許庁長官
Commissioner,
Japan Patent Office

今井康夫



出証番号 出証特2003-3062761

【書類名】 特許願
【整理番号】 P023P05
【提出日】 平成14年 6月28日
【あて先】 特許庁長官 及川 耕造 殿
【国際特許分類】 A61K 48/00
A61K 9/51
A61K 47/42
A61P 35/00
A61P 43/00
C07K 14/02
C07K 19/00

【発明者】

【住所又は居所】 大阪府吹田市上山田7番C-104号

【氏名】 黒田 俊一

【発明者】

【住所又は居所】 大阪府豊能郡豊能町希望ヶ丘2-30-2

【氏名】 谷澤 克行

【発明者】

【住所又は居所】 兵庫県神戸市灘区篠原伯母野山町1-2-806

【氏名】 近藤 昭彦

【発明者】

【住所又は居所】 東京都新宿区納戸町6

【氏名】 上田 政和

【発明者】

【住所又は居所】 岡山県岡山市門田文化町2-10-13

【氏名】 妹尾 昌治

【発明者】

【住所又は居所】 岡山県岡山市伊島町2-20-22-206

【氏名】 多田 宏子

【特許出願人】

【識別番号】 396020800

【氏名又は名称】 科学技術振興事業団

【代理人】

【識別番号】 100080034

【弁理士】

【氏名又は名称】 原 謙三

【電話番号】 06-6351-4384

【手数料の表示】

【予納台帳番号】 003229

【納付金額】 21,000円

【提出物件の目録】

【物件名】 明細書 1

【物件名】 図面 1

【物件名】 要約書 1

【包括委任状番号】 0111475

【プルーフの要否】 要

【書類名】 明細書

【発明の名称】 システイン残基を改変したタンパク質からなる中空ナノ粒子およびそれを用いた薬剤

【特許請求の範囲】

【請求項 1】

特定の細胞に対する認識能を有し、粒子形成能を有するタンパク質からなる中空ナノ粒子において、当該タンパク質に含まれる少なくとも 1 つのシステイン残基が改変されてなる中空ナノ粒子。

【請求項 2】

上記タンパク質は、B 型肝炎ウイルス表面抗原タンパク質である請求項 1 記載の中空ナノ粒子。

【請求項 3】

膜貫通領域に存在する少なくとも 1 つのシステイン残基が疎水性アミノ酸に置換され、及び／又は、粒子外部または内部に存在する少なくとも 1 つのシステイン残基が親水性アミノ酸に置換されている請求項 1 または 2 記載の中空ナノ粒子。

【請求項 4】

膜貫通領域に存在する少なくとも 1 つのシステイン残基がアラニン残基に置換され、及び／又は、粒子外部または内部に存在する少なくとも 1 つのシステイン残基がセリン残基に置換されている請求項 3 記載の中空ナノ粒子。

【請求項 5】

上記システイン残基の改変は、上記粒子形成能を有するタンパク質をコードする遺伝子に変異を導入し、この変異遺伝子を発現させることにより行われることを特徴とする請求項 1 ～ 4 の何れか 1 項に記載の中空ナノ粒子。

【請求項 6】

上記変異遺伝子を含むベクターにて真核細胞を形質転換させ、当該真核細胞において上記変異遺伝子を発現させることにより得られることを特徴とする請求項 5 記載の中空ナノ粒子。

【請求項 7】

上記真核細胞は、動物細胞または酵母であることを特徴とする請求項 6 記載の中空ナノ粒子。

【請求項 8】

請求項 1 ～ 7 の何れか 1 項に記載の中空ナノ粒子に細胞導入物質が封入されていることを特徴とする薬剤。

【請求項 9】

上記細胞導入物質は、遺伝子であることを特徴とする請求項 8 記載の薬剤。

【請求項 1 0】

請求項 8 または 9 に記載の薬剤を用いる疾患の治療方法。

【発明の詳細な説明】

【 0 0 0 1】

【発明の属する技術分野】

本発明は、疾患治療用の細胞導入物質を封入することができる中空ナノ粒子に関し、より詳細には、粒子内部に封入された疾患治療用の細胞導入物質を特定細胞または組織内に特異的に導入可能な薬剤に関するものである。

【 0 0 0 2】

【従来の技術】

近年、医学の分野において、患部に直接作用し、高い効果を示す副作用の少ない薬品の開発が盛んに行われている。特に、ドラッグデリバリーシステム（DDS）と呼ばれる方法は、目的細胞、あるいは、目的組織に対して特異的に薬剤等の有効成分を運搬し、目的箇所で有効成分を作用させることのできる方法として注目されている。

【 0 0 0 3】

目的細胞、あるいは、目的組織に対して特異的に薬剤となるタンパク質を送り込む方法としては、従来、当該タンパク質をコードする遺伝子が組み込まれた発現ベクターをエレクトロポレーション法等により目的細胞に導入して、この遺伝子を細胞内で発現させることによりタンパク質薬剤を細胞内に送り込むいわゆる遺伝子導入方法が開発されてきた。しかし、このような従来の遺伝子導入方法では、何れも、目的細胞、あるいは、目的組織に対して特異的にタンパク質薬剤を

送り込む方法としては不十分なものであった。

【0004】

【発明が解決しようとする課題】

以上のような状況に鑑み、本発明者らは、国際公開番号WO01/64930の国際出願（以下、「国際出願WO01/64930」という）において、粒子形成能を有するタンパク質に生体認識分子が導入された中空ナノ粒子を用いて、目的とする細胞や組織に、物質（遺伝子、タンパク質、化合物等）を特異的かつ安全に運搬、導入するための方法を提案しているが、この方法を応用しつつ目的の細胞または組織に対して物質をより効率的に導入するためのさらなる改良が課題となっていた。

【0005】

本発明は、上記の課題に鑑みなされたものであり、その目的は、目的の細胞や組織に特異的に効率よく物質を導入するタンパク質中空ナノ粒子、およびこの中空ナノ粒子に細胞導入物質を包含させた薬剤を提供することにある。

【0006】

【課題を解決するための手段】

本発明者らは、鋭意検討を重ねた結果、粒子を形成するタンパク質のシステイン残基を改変することにより、粒子による物質の細胞特異的導入効率が飛躍的に高まることを見出し、本発明を完成させるに至った。

【0007】

即ち、本発明に係る中空ナノ粒子は、特定の細胞（例えば肝細胞など）に対する認識能を有し、粒子形成能を有するタンパク質からなる中空ナノ粒子において、当該タンパク質におけるシステイン残基を改変した中空ナノ粒子である。

【0008】

上記「粒子形成能を有するタンパク質」としては、例えばB型肝炎ウイルス表面抗原タンパク質を挙げることができる。このタンパク質は、真核細胞で発現させると、小胞体膜上に膜タンパク質として発現、蓄積され、粒子として放出される。本発明の中空ナノ粒子は、このような粒子形成能を有するタンパク質をコードする遺伝子を含むベクターによって真核細胞（例えば哺乳類等の動物細胞また

は酵母)を形質転換させ、当該真核細胞に遺伝子発現させることにより製造することができる。

【0009】

上記B型肝炎ウイルス表面抗原タンパク質を用いて形成された粒子は、肝細胞を認識し、肝細胞に対して特異的に粒子内の物質を運搬することができるので、肝臓疾患治療用の物質(遺伝子等)を包含させることにより、肝細胞に対して特異的かつ効果的に作用する有効な治療薬となる。

【0010】

また、例えば上記B型肝炎ウイルス表面抗原タンパク質を、本来の肝細胞に対する感染能を欠失するように改変し、さらに増殖因子や抗体を提示するように改変し、このように改変されたB型肝炎ウイルス表面抗原タンパク質を用いて粒子を形成することで、肝細胞以外の特定の細胞に対して特異的に粒子内の物質を運搬することができる。例えば、ある癌細胞を特異的に認識する抗体を提示させることで、その癌細胞を認識し、その癌細胞に対して特異的に粒子内の物質を運搬することができる。

【0011】

上記B型肝炎ウイルス表面抗原タンパク質における後述のSタンパク質は、タンパク質の酸化還元に関与するシステイン(Cys)残基を合計14個有している。これらのCys残基は形成された粒子の構造を制御していると考えられるが、粒子の精製過程あるいは保存中にCys残基同士の過剰なジスルフィド結合により、タンパク質の分子間および分子内に不規則なジスルフィド架橋が生じてポリマー化し安定性に欠ける。そこで、これらCys残基のうち上記構造の制御に重要なものを改変することによって(あるいは、これらCys残基以外で粒子形成能や細胞認識能に実質的な影響を与えないCys残基を改変することによって)ポリマー化を防ぎ、これにより、粒子に安定性が付与され、また、中空ナノ粒子への物質の封入効率が向上するので、包含する物質を効率よく細胞に導入することができる。

【0012】

Cys残基の改変は、他のアミノ酸への置換が好ましいが、Cys残基を欠失させる

ような改変を行ってもよい。B型肝炎ウイルス表面抗原タンパク質は膜貫通型の膜タンパク質であるので、粒子外、脂質二重層膜内部および粒子内の各部にまたがって存在するが、Cys残基を置換するアミノ酸は、脂質二重層膜内部に存在すると予測されるCys残基は疎水性のアミノ酸（例えばアラニン（Ala）残基）に、粒子外部および内部に存在すると予測されるCys残基は親水性のアミノ酸（例えばセリン（Ser）残基）に置換するのが好ましい。

【0013】

システイン残基の改変は、上記粒子形成能を有するタンパク質をコードする遺伝子に変異を導入し、例えば、変異遺伝子を含むベクターにて真核細胞を形質転換させ、当該真核細胞において上記変異遺伝子を発現させる等の方法で改変された中空ナノ粒子を作製することができる。

【0014】

また、本発明の中空ナノ粒子に治療物質を包含させた薬剤では、静脈注射という簡便な方法で特定の細胞または組織における疾患を効果的に治療することができ、従来の治療方法と大きく異なり、多量の薬剤の投与や遺伝子治療等における外科手術を必要とせず、副作用の心配も極めて低く、そのまま臨床応用可能なものである。

【0015】

本発明の治療方法は、本発明の薬剤を投与することによる疾患の治療方法である。

【0016】

【発明の実施の形態】

本発明の中空ナノ粒子は、粒子形成能を有するタンパク質のシステイン残基を改変してなるものであるが、その粒子形成能を有するタンパク質に生体認識分子（換言すれば、特定の細胞を認識する分子）を導入することによって、目的細胞あるいは目的組織に特異的に物質を運搬することができる。このような粒子形成能を有するタンパク質としては、種々のウイルスから得られるサブウイルス粒子を適用することができる。具体的には、B型肝炎ウイルス（Hepatitis B Virus: HBV）表面抗原タンパク質等が例示される（以下、このB型肝炎ウイルス表面

抗原タンパク質を「HBsAg」と略記する場合がある）。

【0017】

また、このような粒子形成能を有するタンパク質からなるタンパク質粒子としては、真核細胞でタンパク質を発現させることにより得られるものが挙げられる。つまり、真核細胞で粒子形成能を有するタンパク質を発現させると、同タンパク質は、小胞体膜上に膜タンパク質として発現、蓄積され、粒子として放出されるのである。このとき、真核細胞としては、哺乳類等の動物細胞、酵母等が適用できる。

【0018】

本発明者らは、遺伝子組換え酵母で上記HBsAgのLタンパク質（後述の実施例参照）を発現させることにより、発現されたHBsAgのLタンパク質から酵母由来の脂質二重膜に多数の同タンパク質が埋め込まれた短径約20nm、長径約150nmの楕円状中空粒子が形成されることを見出し、報告している（J. Biol. Chem., Vol.267, No.3, 1953-1961, 1992）。このような粒子は、HBVゲノムを全く含まないので、ウィルスとしては機能せず、人体への安全性が極めて高い。また、HBVの肝細胞への極めて高い感染力を担う肝細胞特異的レセプターを粒子表面に提示しているため、肝細胞に対して特異的に物質を運搬する運搬体としての効果も高いのである。

【0019】

このように遺伝子組換え酵母を用いてタンパク質粒子を形成する方法は、菌体内の可溶性タンパク質から高効率で粒子が生産される点で好適である。

【0020】

上記HBsAgのSタンパク質（後述の実施例参照）は、タンパク質の酸化還元に関与するシステイン（Cys）残基を合計14個有している。これらのCys残基は形成された粒子の構造を制御していると考えられるが、粒子の精製過程あるいは保存中にCys残基同士の過剰なジスルフィド結合によりポリマー化し安定性に欠ける。そこで、これらCys残基のうち上記構造の制御に重要でないものを改変することによって、粒子に安定性を付与して保存を容易にし、また、中空ナノ粒子への物質の封入効率が向上するので、包含する物質を効率よく細胞に導入する

ことができる。

【0021】

改変されるCys残基の部位は特に限定されるものではないが、HBsAg粒子の機能を損なわないように改変する必要がある。HBsAgのLタンパク質は肝細胞認識部位であるPreS1やPreS2と、Sタンパク質とからなるが、Sタンパク質においてはアミノ酸を改変してもHBsAg粒子の機能への影響が少ないと考えられる。そこで、Sタンパク質に含まれているシステイン（Cys）残基14個（図1の模式図中に「C」でその位置が示されている）の一部を改変することによって、HBsAg粒子がその肝細胞認識能や粒子形成能を失わずにジスルフィド結合を解くことができると考えられる。

【0022】

Sタンパク質に含まれる14個のCys残基は、Sタンパク質のアミノ酸配列のN末端部分から数えて、48, 65, 69, 76, 90, 107, 121, 124, 137, 138, 139, 147, 149, 221番目に位置する（図2下線部）。図1の模式図に示すとおり、HBsAgタンパク質は膜貫通タンパク質であり、N末端側のPreS領域が粒子外部にあり、それに続くSタンパク質部分では膜を貫通して粒子内部へ入った後、再び膜を貫通して粒子外部に出、もう一度膜に入ってC末端部分は膜内に留まっている。つまり、Sタンパク質は、3つの膜貫通部位と粒子内部分と粒子外に露出した部分からなる。上述した14個のCys残基は、48, 65, 69番目が粒子内に存在し、76, 90, 107番目が第2の膜貫通領域に位置し、121, 124, 137, 138, 139, 147番目が粒子外部に露出し、149, 221番目が第3の膜貫通部位に位置すると予測されている。

【0023】

この14個のCys残基の中で改変されるCys残基は特に限定されるものではないが、膜貫通部位および粒子外部に存在するCys残基でC末端に近い位置にあるものが好ましい。具体的には、76, 90, 137, 138, 139, 147, 149, 221番目を置換したものが好ましく、これらの8つのCys残基から選ばれた複数のCys残基を置換したものがより好ましい。その中でも、上記8つのCys残基をすべて置換したもの、あるいは上記8つのCys残基のうち138番目のCys残基以外を置換したものが特に好ましい。

【0024】

上記Cys残基を置換する場合に、Cys残基を置換するアミノ酸は特に限定しないが、膜貫通部位に存在するアミノ酸は脂質2重膜の疎水性の層に存在することとなるので疎水性であることが好ましい。疎水性のアミノ酸は、アラニン、グリシン、イソロイシン、ロイシン、メチオニン、フェニルアラニン、プロリン、トリプトファン、チロシン、バリンがあり、この中でもアラニン残基に置換するのが好ましい。一方、粒子外部および内部に存在すると予測されるCys残基は親水性のアミノ酸に置換することが好ましい。親水性のアミノ酸は、アルギニン、アスパラギン、アスパラギン酸、グルタミン酸、グルタミン、ヒスチジン、リシン、セリン、スレオニンがあり、この中でもセリン残基に置換するのが好ましい。

【0025】

Cys残基の改変は、一般的に用いられる、部位特異的突然変異導入法を用いることができる。例えば、PCR法を利用して塩基配列に点変異を導入し変異タンパク質を作製する方法や、部位特異的突然変異誘発法（Hashimoto-Gotoh, Gene 152, 271-275 (1995) 他）等が挙げられる。また、文献「細胞工学別冊 新細胞工学実験プロトコール 秀潤社 241-248 (1993)」に記載の方法、さらには、市販のキット（例えば、Quikchange Site-Directed Mutagenesis Kit ストラタジーン社製）を利用する方法も可能である。

【0026】

この中でも、アミノ酸置換には、特にPCR法を用いて変異を導入する方法が好ましい。これは具体的に説明すると、置換したいCys残基をコードする塩基配列部分に、変異を導入したプライマーをハイブリダイズさせてPCR法によって増幅させる方法である。これにより、Cys残基が他のアミノ酸に置換されたタンパク質をコードする遺伝子を増幅することができる。この遺伝子を上述したように、真核生物等を用いて発現させることで、Cys残基が置換されたタンパク質からなる中空ナノ粒子を作成することができる。

【0027】

また、本発明のタンパク質中空ナノ粒子では、以上のような方法によって得られた粒子表面のレセプターを任意の生体認識分子に改変することにより、肝細胞

以外にも、任意の細胞及び組織に極めて高い特異性で物質を運搬、導入することが可能となる。

【0028】

もちろん、粒子形成能を有するタンパク質は、上記のB型肝炎ウイルス表面抗原タンパク質に限られるものではなく、粒子を形成することができるタンパク質であれば、どのようなものでもよく、動物細胞、植物細胞、ウイルス、菌類等に由来する天然タンパク質や、種々の合成タンパク質等が考慮される。また、例えばウイルス由来の抗原タンパク質等が生体内において抗体を惹起する可能性がある場合などは、改変して抗原性を減少させたものを粒子形成能を有するタンパク質として用いてもよい。例えば、粒子形成能を有するタンパク質としては、国際出願WO01/64930に開示される抗原性を減少させたB型肝炎ウイルス表面抗原タンパク質であってもよいし、同国際出願に開示されるその他の改変型タンパク質（B型肝炎ウイルス表面抗原タンパク質を、遺伝子操作技術を用いて改変したタンパク質）であってもよい。また、B型肝炎ウイルス表面抗原タンパク質や同タンパク質を改変した改変型タンパク質に、さらに増殖因子や抗体などの他のタンパク質を付加したものを、粒子形成能を有するタンパク質として用いてもよい。

【0029】

粒子形成能を有するタンパク質に導入される生体認識分子（粒子形成能を有するタンパク質に生体認識分子が含まれる場合と、粒子形成能を有するタンパク質に生体認識分子を融合（または直接間接に結合）させる場合とを両方含む）としては、例えば成長因子、サイトカイン等の細胞機能調節分子、細胞表面抗原、組織特異的抗原、レセプターなどの細胞および組織を識別するための分子、ウイルスおよび微生物に由来する分子、抗体、糖鎖、脂質などが好ましく用いられる。具体的には、癌細胞に特異的に現れるEGF受容体やIL-2受容体に対する抗体やEGF、またHBVの提示するレセプターも含まれる。これらは、目的とする細胞、あるいは組織に応じて適宜選択される。なお、ここで「生体認識分子」とは、特定の細胞を認識する分子（換言すれば、特定の細胞に対する認識能を本発明の中空ナノ粒子に付与する分子）のことをいう。

【0030】

以上のように作製された本発明の中空ナノ粒子は、特定の細胞に対して特異的に細胞導入物質を送り込むものとして有用である。例えば、本発明の中空ナノ粒子として、B型肝炎ウイルス表面抗原タンパク質からなる粒子を用い、これに細胞導入物質を包含した薬剤を静脈注射などによって体内に投与すれば、当該粒子は体内を循環し、粒子表面に提示した肝細胞特異的レセプターにより肝細胞に導かれ、感染する。そして、細胞導入物質が肝細胞中に送られ、細胞導入物質の肝臓組織特異的な導入が行われる。

【0031】

このタンパク質中空ナノ粒子に内包される細胞導入物質としては、例えばDNA、RNAなどの遺伝子、天然あるいは合成タンパク質、オリゴヌクレオチド、ペプチド、薬剤、天然あるいは合成化合物など、どのようなものであってもよい。

【0032】

これらの細胞導入物質を上記の中空ナノ粒子に封入する方法としては、通常の化学的、分子生物学的実験手法で用いられる様々な方法が適用される。たとえば、エレクトロポレーション法、超音波法、単純拡散法、あるいは電荷を有する脂質を用いる方法等が好ましく例示される。また、細胞導入物質としてタンパク質を用いる場合は、粒子形成能を有するタンパク質に細胞導入物質を融合させて粒子形成する方法もある。粒子形成能を有するタンパク質に細胞導入物質を融合させる方法とは、例えば、B型肝炎ウイルス表面抗原タンパク質をコードする遺伝子と、その下流側に上記タンパク質薬剤をコードする遺伝子とが挿入されたプラスミドを作製し、このプラスミドを用いて真核細胞に粒子を形成させることによって、粒子を形成するB型肝炎ウイルス表面抗原タンパク質にタンパク質薬剤が融合した薬剤を製造する方法である。

【0033】

なお、薬剤の投与方法としては、静脈注射による投与のほかに、経口投与、筋肉内投与、腹腔内投与、皮下投与等が挙げられる。

【0034】

このように、本発明の薬剤を用いれば、in vivoあるいはin vitroで細胞、または組織に特異的に物質を導入することができ、特定細胞または組織に物質を導入することを各種疾患の治療法あるいは治療法の1ステップとして行うことも可能になるのである。

【0035】

以下、添付した図面に沿って実施例を示し、この発明の実施の形態についてさらに詳しく説明する。もちろん、この発明は以下の例に限定されるものではなく、細部については様々な態様が可能であることは言うまでもない。

【0036】

【実施例】

以下の実施例において、HBsAgとは、HBVの外被タンパク質であるB型肝炎ウイルス表面抗原 (Hepatitis B virus surface Antigen) を示す。HBsAgは、図2に示すように226個のアミノ酸から構成されるSタンパク質を含んでいる。Sタンパク質のN末端側に55アミノ酸 (pre-S2 peptide) が付加したものがMタンパク質、Mタンパク質のN末端側に、108もしくは119アミノ酸 (pre-S1 peptide) が付加したものがLタンパク質である。

【0037】

HBsAg Lタンパク質の上記Pre-S領域 (pre-S1, pre-S2) は、HBVが肝細胞に結合する際に、それぞれ重要な役割を担うことが知られている。Pre-S1は、肝細胞に直接結合する部位を持ち、pre-S2は、血中の重合アルブミンを介して肝細胞に結合する重合アルブミンレセプターを有するのである。

【0038】

真核細胞でHBsAgを発現させると、同タンパク質は、小胞体膜上に膜タンパク質として発現、蓄積される。HBsAgのLタンパク質は、分子間で凝集を起こし、小胞体膜を取り込みながら、出芽様式でルーメン側に粒子として放出される。

【0039】

以下の実施例では、HBsAgのLタンパク質を用いた。

【0040】

(実施例 1) Cys 残基が置換された HB s A g L タンパク質をコードする遺伝子プラスミドの作成

発明者らによって報告された J. Biotechnol., Vol. 33:, No. 2, 157-174, 1994 記載の方法に基づいて、p G L D L I P 3 9 - R c T に組み込まれた HB s A g L タンパク質をコードする遺伝子断片を、動物細胞発現用プラスミド pTB1455 の SR α ' プロモーターの下流に組み込んで、pB0442 プラスミドを得た。HB s A g L タンパク質の塩基配列は配列番号 1 に示され、アミノ酸配列は配列番号 2 に示されている。得られた pB0442 プラスミドにより、DNA をメチル化する大腸菌 K12 株 (DH 5 α または XL-1 Blue) を形質転換し、メチル化された pB0442 プラスミドを精製した。

【0041】

pB0442 プラスミドの HB s A g L タンパク質をコードする領域において、Cys 残基をコードする塩基配列を、Ala 残基もしくは Ser 残基をコードする塩基配列に改変するために、pB0442 プラスミドを鋳型として P C R 法を用いた部位特異的突然変異導入法により変異を導入した。以下に図 3 を用いて 48 番目の Cys 残基が S er 残基に置換された HB s A g L タンパク質遺伝子プラスミドの作成方法を例に挙げて詳細に説明する。

【0042】

鋳型プラスミドとしての pB0442 プラスミドは図 3 に示すように、SR α ' プロモーターとその下流に HB s A g L タンパク質をコードする領域を有している。このプラスミドにおける HB s A g L タンパク質の 48 番目の Cys 残基をコードするコドン (tgt) を含む領域に、変異を導入した合成オリゴヌクレオチド (プライマー) をハイブリダイズさせて、当該プラスミドを鋳型として P C R 反応により、鎖を伸長させた。ここで、変異を導入したプライマーは、鋳型の 48 番目の Cys 残基のコドンとミスマッチ (鋳型が tgt、プライマーが aga) となるように設計した。これによって、48 番目の Cys コドン (tgt) が S er コドン (tct) に置換されたプラスミドを増幅することができる。

表 1 に、以上と同様の方法で、14 個の各 Cys 残基を 1 つ置換することができる

る mismatch プライマーセット (1 ~ 1.4 行目)、および近隣の2つまたは3つの Cys 残基を同時に置換する mismatch プライマーセット (1 5 ~ 1 7 行目) の塩基配列を示す。置換位置は置換される Cys 残基の位置 (S タンパク質アミノ酸の N 末端から数えた数) を示し、対応するプライマー (センス側とアンチセンス側との一組) のサイズと配列、および P C R 反応におけるアニーリング温度を示した。置換位置の表記は、「C/48/S」が48番目の Cys 残基を Ser 残基に置換させることを意味し、「C/76/A」が76番目の Cys 残基を Ala 残基に置換させることを意味するものとする。

【 0 0 4 3 】

【表 1】

置換位置	プライマー No.	センスプライマー	サイズ (mer)	プライマー No.	アンチセンスプライマー	サイズ (mer)	アニー リング 温度 (°C)
1 C/48/S	393	GCACCCACGTCCTCGCCAAAATTC	26	394	GAATTTGGCCAGGAGACGTTGGTGC	26	52
2 C/65/S	444	TCACCAACCTCTAGTCTCCAATTGG	26	445	CAAAATTGGAGGACTAGAGGTTGGTGA	26	53
3 C/69/S	446	CTTGCTCTCCAATAAGTCTGGCTATCG	28	447	CGATAGCCAGGACATTATTGGAGGACAAG	28	40
4 C/76/A	520	TATCGCTGGATGGCGCTGGCGGTTTATC	30	521	AAAACGCCGACGCGCCATCCAGCGATAGCC	30	53
5 C/90/A	414	CATCCTGCTGTACCCCTCATCTTCTTG	28	415	CAAGAAGATGAGGGCTAGCAGCAGGATG	28	55
6 C/107/A	474	ATGTTGCCGTTGGCGCTCTACTTCCA	27	475	TGGAAGTAGAGGCGCAACGGCAACAT	27	49
7 C/121/S	476	AGCACGGGGCCCTTGAAGACCTGCACGATT	30	477	GTGCAGGTCTTCGAAGGCCCGCTGCTGGTG	30	49
8 C/124/S	478	CCATGCAAGACCTCGACGATTCTCTGCT	27	479	AGCAGGAATCGTCGAGGCTTTGCATGG	27	49
9 C/137/S	480	ATGTTCCCTCTAGTTGCTGTACAA	25	481	TTGTACAGCAACTAGAGGGGAAACAT	25	45
10 C/138/S	482	TTTCCCTCTTGCAGCTGTACAAAAC	25	483	TTTTGTACAGCTGCAAGAGGGAAG	25	45
11 C/139/S	484	CCTCTTGTGCTCGACAAAACCTTCG	26	485	CGAAGGTTTTGTCGAGCAACAAGAGG	26	45
12 C/147/S	468	TCGGACGGAAACAGCACTTGATTCC	26	467	GGAATACAAGTGCCTGTTTCCGTCGGA	26	53
13 C/149/A	462	CGGAAACTGCACGGCCATTCCCATCCCA	28	463	TGGGATGGGAATGGCCGTGCAGTTTCCG	28	45
14 C/221/A	464	ACCAATTTCTTTGCGCTTTGGGTATAC	28	465	GTATACCCAAAGCGCAAGAAAAATTGGT	28	45
15 C/147, 149/S	568	CCTTCGGACGGAAACAGCAGCGGCATTCCC	30	569	GGGAATGGCCGTGCTGTTTCCGTCGGAAGG	30	60
16 C/138, 139/S	580	TTTCCCTCTTGTAGCTCGACAAAAC	25	581	GTTTTGTCGAGCTACAAGAGGGAAA	25	45
17 C/137, 138, 139/S	582	ATGTTCCCTCTTCTAGCTCGACAA	25	583	TTGTCGAGCTAGAAGAGGGGAAACAT	25	50

【0044】

また、これら 17 組 34 個のプライマーの塩基配列は、表 1 の順番どおりに配

列番号 3 ~ 36 に示されている。すなわち、配列番号 1 および 2 には 48 番目の Cys 残基を 1 つ置換するプライマーセットの塩基配列が示され、以下同様に、配列番号 3 および 4 が 65 番目、配列番号 5 および 6 が 69 番目、配列番号 7 および 8 が 76 番目、配列番号 9 および 10 が 90 番目、配列番号 11 および 12 が 107 番目、配列番号 13 および 14 が 121 番目、配列番号 15 および 16 が 124 番目、配列番号 17 および 18 が 137 番目、配列番号 19 および 20 が 138 番目、配列番号 21 および 22 が 139 番目、配列番号 23 および 24 が 147 番目、配列番号 25 および 26 が 149 番目、配列番号 27 および 28 が 221 番目の Cys 残基を 1 つ置換するプライマーセットの塩基配列を示している。そして、配列番号 29 および 30 が 147, 149 番目、配列番号 31 および 32 が 138, 139 番目の Cys 残基、配列番号 33 および 34 が 137, 138, 139 番目の Cys 残基を置換するプライマーセットの塩基配列を示している。

【0045】

PCR 反応は、50 μ l 中に鋳型 DNA 50nmol、合成 DNA プライマー (変異導入プライマー) 各 15pmol、dATP 40nmol, dCTP 40nmol, dGTP 40nmol, dTTP 40nmol, Pfu turbo DNA polymerase 2.5 単位、10 mM KCl、10 mM (NH₄)₂SO₄、20 mM Tris-Cl (pH 8.75)、2 mM MgSO₄、0.1% TritonR X-100、100 μ g/ml BSA 中で、95℃ 30 秒加熱後、95℃ 30 秒、アニーリング 1 分、68℃ 20 分の反応を 18 サイクル行なった。アニーリングの温度はプライマーにより異なり、表 1 に記載したとおりとした。

【0046】

反応終了後、メチル化された DNA を消化する制限酵素 DpnI (10,000 単位/mL) を 1 μ l 加えて 37℃ で 1 時間処理した。鋳型として用いた、Cys 残基が置換されていないプラスミド DNA は、上記したように DNA をメチル化する大腸菌を形質転換して得ているので、鋳型 DNA はメチル化されている。一方、Cys 残基が置換されたものはメチル化されていない。したがって、制限酵素 DpnI 処理により、鋳型 DNA のみが消化される。残った DNA、即ち Cys 残基が置換された L タンパク質 DNA により大腸菌 XL-1 Blue を形質転換し、得られたコロニーからプラスミド DNA を抽出した。得られたプラスミド DNA は、制限酵素地図および塩基配列により、目的の変

異が導入されていることを確認した。

【0047】

また、以上のようにして作成したCys残基置換型Lタンパク質プラスミドを鋳型として再度他のミスマッチプライマーによってPCR反応を行うことにより、さらに多くのCys残基を置換したLタンパク質遺伝子プラスミドを作成した。

【0048】

このようにして、1～9個のCys残基が改変された、27個のプラスミドを作成した。27個のプラスミド番号(No.) および名前(PB0***)、その発現タンパク質における置換位置を表2に示した。また、図4にHBsAg Lタンパク質の1次構造を直線で示し、Sタンパク質におけるシステインの位置(矢印)と、各プラスミドの遺伝子がコードするSタンパク質のアミノ酸置換位置(S(セリン)またはA(アラニン)が示す位置)を図示した模式図を示した。

【0049】

【表 2】

プラスミド No.	プラスミド名 pBO No.	置換位置
1	454	C/48/S
2	497	C/65/S
3	498	C/69/S
4	468	C/76/A
5	455	C/90/A
6	456	C/107/A
7	460	C/121/S
8	461	C/124/S
9	465	C/137/S
10	466	C/138/S
11	467	C/139/S
12	499	C/147/S
13	469	C/149/A
14	470	C/221/A
15	511	C/76,90/A
16	514	C/90/A, C/139/S
17	518	C/90/A, C/147/S
18	513	C/90,149/A
19	512	C/90,221/A
20	519	C/76,90,221/A
21	520	C/76,90,149,221/A
22	528	C/76,90,149,221/A, C/139/S
23	529	C/76,90,149,221/A, C/147/S
24	533	C/76,90,149,221/A, C/139,147/S
25	539	C/76,90,149,221/A, C/138,139,147/S
26	540	C/76,90,149,221/A, C/137,138,139,147/S
27	541	C/76,90,149,221/A, C/107,137,138,139,147/S

【0050】

(実施例 2) 変異導入 H B s A g 粒子の COS7 細胞による発現と検出

(1) 変異導入 H B s A g 粒子の COS7 細胞による発現

サル腎由来細胞株 COS7 をウシ胎児血清 (FBS) 5 % を含むダルベッコ改変イーグル培地 (DMEM) 中で 37℃, 5 % CO₂ 下で培養し、T-75 フラスコ (ファルコン社製) 1 枚あたり 4 × 10⁶ 個の細胞を得た。一方、RPMI1640 培地 10 ml にグルコース 18.5 mg を加え、さらにこの溶液 1 ml に 2 μl の 50 mM のジチオスレイトール (

DTT)を加えた溶液を用意した。この溶液0.3Mlに上記の 4×10^6 個のCOS7細胞と実施例1で得られたプラスミドDNA 5 μ gを懸濁し、エレクトロポレーションキュベット(電極間距離4mm)に移した後、エレクトロポレーター(バイオラッド社製)を用いて950 μ F、0.3kVの条件で遺伝子導入を行なった。キュベット中の細胞を60mmディッシュ(ファルコン社製)へ移し、5%FBSを含むDMEM 6Ml中にて37°C、5%CO₂の条件下で14から15時間培養を行なった後、培地を6Mlの無血清培地CHO-SFM II(インビトロジェン社製)に交換し、さらに4日間培養を継続して培地を回収した。

(2) 変異導入HBsAg粒子の抗原性による検出

回収した培地90 μ lに1%FBSを含むダルベッコリン酸緩衝液(PBS)90 μ lを加えて、IMX HBsAgアッセイシステム(ダイナボット社製)により抗原性を検出した。ここで、抗原性を有している場合、HBsAg粒子が形成されたと判断し、これにより培養液中に変異型HBsAg粒子の存在を確認した。図5にプラスミド番号1~25のプラスミドにより変異を導入された25個の変異型HBsAgの発現を検出した結果を示した。抗原性は野生型を100とした場合の相対値で示しており、プラスミドによる形質転換を行わず、粒子形成が行われていない培養液を検出した結果を陰性対照(ネガティブ)とした。なお、3回以上行なった実験に関しては偏差値をバーで示してある。

【0051】

14個の各Cys残基を1箇所置換した結果(1~14行目)によると、膜貫通領域に存在するCys残基を置換したものが良好な抗原性を有していた。特に、76, 90, 149, 221番目を置換したものが野生型と同等かそれ以上の抗原性を有していた。また、粒子外部に存在するCys残基でもC末端に近い部位を置換したものは、良好な抗原性が保たれていた。特に、139, 147番目を置換したものが野生型と同等かそれ以上の抗原性を有していた。以上の特に抗原性が良好なCys残基置換位置をさらに組み合わせた、2~9個のCys残基を置換したHBsAg Lタンパク質を作成した(15~25行目)。これについては、すべて野生型と同等かそれ以上の抗原性を有していた。

(3) 変異導入HBsAg粒子のウェスタンブロッティングによる検出

ドデシル硫酸ナトリウム-ポリアクリルアミドゲル電気泳動 (SDS-PAGE) とウェスタンブロット法 (Western Blotting) を用いて、変異型粒子分子量および二量体化した粒子の有無を検討した。

【0052】

詳しくは、回収した培地 180 μ l に IMX HBsAg アッセイシステムの抗 HBs マウスモノクローナル抗体固定化マイクロパーティクルを 60 μ l 加えて、ゆっくりチューブを回転させながら 1 晩、4 $^{\circ}$ C においた。3 分間卓上型高速遠心機を用いてマイクロパーティクルと共に培地中の粒子を沈降させ、得られた沈澱を 0.5ml の TBST (10mM Tris-HCl 緩衝液 pH7.5, 150mM NaCl, 0.1 Tween20) を加えて懸濁し、さらに遠心を行なって沈澱を回収する洗浄操作を 5 回くり返した。

【0053】

この沈澱を 2 等分して、1 つは還元条件下、もう 1 つは非還元条件下で SDS-PAGE を行なった。還元条件下とは、上記沈澱をメルカプトエタノールを加えて 95 $^{\circ}$ C、5 分間処理してから SDS-PAGE を行ったもので、システイン残基同士のジスルフィド結合は防がれ、タンパク質がポリマー化されていない状態で検出される。一方、非還元条件下とはメルカプトエタノールを加えず熱処理もしない沈澱で SDS-PAGE を行ったもので、タンパク質はポリマー化された状態で検出される。得られた電気泳動ゲルを 1 次抗体に IMX HBsAg アッセイシステムの抗 HBs ヤギ抗体・ビオチン結合体、2 次抗体にアルカリホスファターゼ標識抗ビオチンウサギ抗体を用いてウェスタンブロッティングを行なった (図 6 (a) ~ (h))。 (a) ~ (d) は還元条件下の結果を、(e) ~ (h) は非還元条件下の結果を示し、レーン上の数字は Cys 置換位置を示している。これによれば、すべての変異導入 HBsAg 粒子において、還元条件下では 53kDa 付近にバンドが見られ、非還元条件下においては 100kDa 付近にバンドが見られた。よって、変異型 HBsAg が 53kDa の分子量を持ち、粒子形成時には 2 量体で存在していることが確認された。HBsAg が 2 量体で存在することは、粒子形成能と相関すると考えられる。

【0054】

(実施例 3) 変異導入 HBsAg 粒子を用いた HepG2 細胞への遺伝子導入

pGLDLIIP39-RcTに組み込まれたHBsAgタンパク質をコードする遺伝子断片を、実施例1で作成された変異型HBsAg遺伝子と入れ換えて、酵母での発現のための変異型HBsAg遺伝子プラスミドを作成した。この変異型HBsAg遺伝子プラスミドの酵母による発現（粒子作成方法）は国際出願WO01/64930に開示される方法に従った。

【0055】

以下に、得られた変異型HBsAg粒子を用いて、GFP遺伝子をヒト肝癌細胞HepG2に導入する方法を説明する。

【0056】

まず、3.5cmガラス底皿シャーレにヒト肝癌細胞HepG2を 1×10^5 cells/wellになるように植菌し、37℃、5%CO₂存在下で10%ウシ胎児血清を含むD-MEMを用いて一晚培養し、指数増殖期となるようにした。変異導入型HBsAg粒子は、緑色蛍光タンパク質発現プラスミド（GFP expression plasmid pTB701-hGFP）と混合して、間隔4mmのキュベットを使用して、110V、950μFの条件でエレクトロポレーションを行なうことで、GFP発現プラスミドを封入された。GFP発現プラスミドを包含するHBsAg粒子をHepG2培養液へ混合し、37℃、5%CO₂存在下でD-MEMを用いて4日間培養した後、HepG2内でのGFPの発現の様子を共焦点レーザー蛍光顕微鏡にて観察した（図7（a））。比較例として、野生型HBsAg粒子についても、同様の方法でほぼ同数のHepG2細胞が培養されたシャーレに、等量のGFP遺伝子プラスミドを包含させた粒子を等量HepG2培養液に混合し、37℃、5%CO₂存在下でD-MEMを用いて4日間培養した後、HepG2内でのGFPの発現の様子を共焦点レーザー蛍光顕微鏡にて観察した（図7（b））。

【0057】

図7によると、変異導入型HBsAgによる物質導入を行った方が蛍光を発する細胞が多く、つまり、HBsAg粒子を形成するタンパク質に変異を導入することで、細胞に遺伝子を導入する効率が向上したと言える。

【0058】

以上より、この発明のCys残基を置換したHBsAg粒子を用いて、培養細胞

レベルで、ヒト肝細胞に対してより高い効率で特異的に遺伝子を導入できることが示された。

【0059】

【発明の効果】

本発明の中空ナノ粒子は、以上のように、物質を細胞特異的に運搬するという機能を保ちつつ、粒子構造を安定化し、さらに効率よく物質を細胞へ導入させることができるという効果を奏する。

【0060】

このようにして作成した薬剤は、静脈注射などといった簡便な方法で、特定の細胞または組織に対して選択的かつ効率的に疾患治療用の細胞導入物質を送り込むことができるので、従来の遺伝子治療と大きく異なり、外科手術を必要とせず、副作用の心配も極めて低く、そのまま臨床応用可能なものである。

【0061】

【配列表】

SEQUENCE LISTING

<110> Japan Science and Technology Corporation

<120> Hollow nano-particles composed of cysteine-modified proteins, and their use as a therapeutic drug

<130> P023P05

<160> 36

<170> PatentIn Ver. 2.1

<210> 1

<211> 1218

<212> DNA

<213> Hepatitis B virus

<220>

<221> CDS

<222> (1)..(1218)

<400> 1

atg aga tct ttg ttg atc ttg gtt ttg tgt ttc ttg cca ttg gct gct 48

Met Arg Ser Leu Leu Ile Leu Val Leu Cys Phe Leu Pro Leu Ala Ala

1

5

10

15

ttg ggt aag gtt cga caa ggc atg ggg acg aat ctt tct gtt ccc aat 96

Leu Gly Lys Val Arg Gln Gly Met Gly Thr Asn Leu Ser Val Pro Asn

20

25

30

cct ctg gga ttc ttt ccc gat cac cag ttg gac cct gcg ttc gga gcc 144

Pro Leu Gly Phe Phe Pro Asp His Gln Leu Asp Pro Ala Phe Gly Ala

35

40

45

aac tca aac aat cca gat tgg gac ttc aac ccc aac aag gat caa tgg 192

Asn Ser Asn Asn Pro Asp Trp Asp Phe Asn Pro Asn Lys Asp Gln Trp

50

55

60

cca gag gca aat cag gta gga gcg gga gca ttc ggg cca ggg ttc acc 240

Pro Glu Ala Asn Gln Val Gly Ala Gly Ala Phe Gly Pro Gly Phe Thr

65

70

75

80

cca cca cac ggc ggt ctt ttg ggg tgg agc cct cag gct cag ggc ata 288

Pro Pro His Gly Gly Leu Leu Gly Trp Ser Pro Gln Ala Gln Gly Ile
 85 90 95

ttg aca aca gtg cca gca gca cct cct cct gcc tcc acc aat cgg cag 336
 Leu Thr Thr Val Pro Ala Ala Pro Pro Pro Ala Ser Thr Asn Arg Gln
 100 105 110

tca gga aga cag cct act ccc atc tct cca cct cta aga gac agt cat 384
 Ser Gly Arg Gln Pro Thr Pro Ile Ser Pro Pro Leu Arg Asp Ser His
 115 120 125

cct cag gcc atg cag tgg aat tcc aca aca ttc cac caa gct ctg cta 432
 Pro Gln Ala Met Gln Trp Asn Ser Thr Thr Phe His Gln Ala Leu Leu
 130 135 140

gat ccc aga gtg agg ggc cta tat ttt cct gct ggt ggc tcc agt tcc 480
 Asp Pro Arg Val Arg Gly Leu Tyr Phe Pro Ala Gly Gly Ser Ser Ser
 145 150 155 160

gga aca gta aac cct gtt ccg act act gcc tca ccc ata tct ggg gac 528
 Gly Thr Val Asn Pro Val Pro Thr Thr Ala Ser Pro Ile Ser Gly Asp
 165 170 175

cct gca ccg aac atg gag aac aca aca tca gga ttc cta gga ccc ctg 576
 Pro Ala Pro Asn Met Glu Asn Thr Thr Ser Gly Phe Leu Gly Pro Leu
 180 185 190

ctc gtg tta cag gcg ggg ttt ttc ttg ttg aca aga atc ctc aca ata 624
 Leu Val Leu Gln Ala Gly Phe Phe Leu Leu Thr Arg Ile Leu Thr Ile

195

200

205

cca cag agt cta gac tcg tgg tgg act tct ctc aat ttt cta ggg gga 672

Pro Gln Ser Leu Asp Ser Trp Trp Thr Ser Leu Asn Phe Leu Gly Gly

210

215

220

gca ccc acg tgt cct ggc caa aat tcg cag tcc cca acc tcc aat cac 720

Ala Pro Thr Cys Pro Gly Gln Asn Ser Gln Ser Pro Thr Ser Asn His

225

230

235

240

tca cca acc tct tgt cct cca att tgt cct ggc tat cgc tgg atg tgt 768

Ser Pro Thr Ser Cys Pro Pro Ile Cys Pro Gly Tyr Arg Trp Met Cys

245

250

255

ctg cgg cgt ttt atc ata ttc ctc ttc atc ctg ctg cta tgc ctc atc 816

Leu Arg Arg Phe Ile Ile Phe Leu Phe Ile Leu Leu Leu Cys Leu Ile

260

265

270

ttc ttg ttg gtt ctt ctg gac tac caa ggt atg ttg ccc gtt tgt cct 864

Phe Leu Leu Val Leu Leu Asp Tyr Gln Gly Met Leu Pro Val Cys Pro

275

280

285

cta ctt cca gga aca tca acc acc agc acg ggg cca tgc aag acc tgc 912

Leu Leu Pro Gly Thr Ser Thr Thr Ser Thr Gly Pro Cys Lys Thr Cys

290

295

300

acg att cct gct caa gga acc tct atg ttt ccc tct tgt tgc tgt aca 960

Thr Ile Pro Ala Gln Gly Thr Ser Met Phe Pro Ser Cys Cys Cys Thr

305

310

315

320

aaa cct tgc gac gga aac tgc act tgt att ccc atc cca tca tcc tgg 1008

Lys Pro Ser Asp Gly Asn Cys Thr Cys Ile Pro Ile Pro Ser Ser Trp

325

330

335

gct ttc gca aga ttc cta tgg gag tgg gcc tca gtc cgt ttc tcc tgg 1056

Ala Phe Ala Arg Phe Leu Trp Glu Trp Ala Ser Val Arg Phe Ser Trp

340

345

350

ctc agt tta cta gtg cca ttt gtt cag tgg ttc gta ggg ctt tcc ccc 1104

Leu Ser Leu Leu Val Pro Phe Val Gln Trp Phe Val Gly Leu Ser Pro

355

360

365

act gtt tgg ctt tca gtt ata tgg atg atg tgg tat tgg ggg cca agt 1152

Thr Val Trp Leu Ser Val Ile Trp Met Met Trp Tyr Trp Gly Pro Ser

370

375

380

ctg tac aac atc ttg agt ccc ttt tta cct cta tta cca att ttc ttt 1200

Leu Tyr Asn Ile Leu Ser Pro Phe Leu Pro Leu Leu Pro Ile Phe Phe

385

390

395

400

tgt ctt tgg gta tat att 1218

Cys Leu Trp Val Tyr Ile

405

<210> 2

<211> 406

<212> PRT

<213> Hepatitis B virus

<400> 2

Met Arg Ser Leu Leu Ile Leu Val Leu Cys Phe Leu Pro Leu Ala Ala

1

5

10

15

Leu Gly Lys Val Arg Gln Gly Met Gly Thr Asn Leu Ser Val Pro Asn

20

25

30

Pro Leu Gly Phe Phe Pro Asp His Gln Leu Asp Pro Ala Phe Gly Ala

35

40

45

Asn Ser Asn Asn Pro Asp Trp Asp Phe Asn Pro Asn Lys Asp Gln Trp

50

55

60

Pro Glu Ala Asn Gln Val Gly Ala Gly Ala Phe Gly Pro Gly Phe Thr

65

70

75

80

Pro Pro His Gly Gly Leu Leu Gly Trp Ser Pro Gln Ala Gln Gly Ile

85

90

95

Leu Thr Thr Val Pro Ala Ala Pro Pro Pro Ala Ser Thr Asn Arg Gln

100

105

110

Ser Gly Arg Gln Pro Thr Pro Ile Ser Pro Pro Leu Arg Asp Ser His

115

120

125

Pro Gln Ala Met Gln Trp Asn Ser Thr Thr Phe His Gln Ala Leu Leu

130

135

140

Asp Pro Arg Val Arg Gly Leu Tyr Phe Pro Ala Gly Gly Ser Ser Ser
145 150 155 160

Gly Thr Val Asn Pro Val Pro Thr Thr Ala Ser Pro Ile Ser Gly Asp
165 170 175

Pro Ala Pro Asn Met Glu Asn Thr Thr Ser Gly Phe Leu Gly Pro Leu
180 185 190

Leu Val Leu Gln Ala Gly Phe Phe Leu Leu Thr Arg Ile Leu Thr Ile
195 200 205

Pro Gln Ser Leu Asp Ser Trp Trp Thr Ser Leu Asn Phe Leu Gly Gly
210 215 220

Ala Pro Thr Cys Pro Gly Gln Asn Ser Gln Ser Pro Thr Ser Asn His
225 230 235 240

Ser Pro Thr Ser Cys Pro Pro Ile Cys Pro Gly Tyr Arg Trp Met Cys
245 250 255

Leu Arg Arg Phe Ile Ile Phe Leu Phe Ile Leu Leu Leu Cys Leu Ile
260 265 270

Phe Leu Leu Val Leu Leu Asp Tyr Gln Gly Met Leu Pro Val Cys Pro
275 280 285

Leu Leu Pro Gly Thr Ser Thr Thr Ser Thr Gly Pro Cys Lys Thr Cys

290

295

300

Thr Ile Pro Ala Gln Gly Thr Ser Met Phe Pro Ser Cys Cys Cys Thr

305

310

315

320

Lys Pro Ser Asp Gly Asn Cys Thr Cys Ile Pro Ile Pro Ser Ser Trp

325

330

335

Ala Phe Ala Arg Phe Leu Trp Glu Trp Ala Ser Val Arg Phe Ser Trp

340

345

350

Leu Ser Leu Leu Val Pro Phe Val Gln Trp Phe Val Gly Leu Ser Pro

355

360

365

Thr Val Trp Leu Ser Val Ile Trp Met Met Trp Tyr Trp Gly Pro Ser

370

375

380

Leu Tyr Asn Ile Leu Ser Pro Phe Leu Pro Leu Leu Pro Ile Phe Phe

385

390

395

400

Cys Leu Trp Val Tyr Ile

405

<210> 3

<211> 26

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Description of Artificial Sequence:Artificially
Synthesized Primer Sequence

<400> 3

gcacccacgt ctcctggcca aaattc

26

<210> 4

<211> 26

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Description of Artificial Sequence:Artificially
Synthesized Primer Sequence

<400> 4

gaattttggc caggagacgt ggggtgc

26

<210> 5

<211> 26

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Description of Artificial Sequence:Artificially

Synthesized Primer Sequence

<400> 5

tcaccaacct ctagtcctcc aatttg

26

<210> 6

<211> 26

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Description of Artificial Sequence:Artificially
Synthesized Primer Sequence

<400> 6

caaattggag gactagaggt tggtga

26

<210> 7

<211> 28

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Description of Artificial Sequence:Artificially
Synthesized Primer Sequence

<400> 7

cttgtcctcc aataagtcct ggctatcg

28

<210> 8

<211> 28

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Description of Artificial Sequence:Artificially
Synthesized Primer Sequence

<400> 8

cgatagccag gacttattgg aggacaag

28

<210> 9

<211> 30

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Description of Artificial Sequence:Artificially
Synthesized Primer Sequence

<400> 9

tatcgctgga tggcgctgcg gcgttttatc

30

<210> 10

<211> 30

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Description of Artificial Sequence:Artificially
Synthesized Primer Sequence

<400> 10

aaaacgccgc agcgccatcc agcgatagcc

30

<210> 11

<211> 28

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Description of Artificial Sequence:Artificially
Synthesized Primer Sequence

<400> 11

catcctgctg ctaccctca tcttcttg

28

<210> 12

<211> 28

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Description of Artificial Sequence:Artificially
Synthesized Primer Sequence

<400> 12

caagaagatg agggctagca gcaggatg

28

<210> 13

<211> 27

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Description of Artificial Sequence:Artificially
Synthesized Primer Sequence

<400> 13

atgttgcccg ttgcgcctct acttcca

27

<210> 14

<211> 27

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Description of Artificial Sequence:Artificially
Synthesized Primer Sequence

<400> 14

tggaagtaga ggcgcaacgg gcaacat

27

<210> 15

<211> 30

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Description of Artificial Sequence:Artificially
Synthesized Primer Sequence

<400> 15

agcacggggc cttcgaagac ctgcacgatt

30

<210> 16

<211> 30

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Description of Artificial Sequence:Artificially
Synthesized Primer Sequence

<400> 16

gtgcaggctc tcgaaggccc cgtgctggtg

30

<210> 17

<211> 27

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Description of Artificial Sequence:Artificially
Synthesized Primer Sequence

<400> 17

ccatgcaaga cctcgacgat tcctgct

27

<210> 18

<211> 27

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Description of Artificial Sequence:Artificially
Synthesized Primer Sequence

<400> 18

agcaggaatc gtcgaggtct tgcattg

27

<210> 19

<211> 25

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Description of Artificial Sequence:Artificially
Synthesized Primer Sequence

<400> 19

atgtttccct ctagttgctg tacaa

25

<210> 20

<211> 25

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Description of Artificial Sequence:Artificially
Synthesized Primer Sequence

<400> 20

ttgtacagca actagaggga aacat

25

<210> 21

<211> 25

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Description of Artificial Sequence:Artificially
Synthesized Primer Sequence

<400> 21

tttccctctt gcagctgtac aaaac

25

<210> 22

<211> 25

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Description of Artificial Sequence:Artificially
Synthesized Primer Sequence

<400> 22

ttttgtacag ctgcaagagg gaaac

25

<210> 23

<211> 26

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Description of Artificial Sequence:Artificially
Synthesized Primer Sequence

<400> 23

cctcttgttg ctcgacaaaa ccttcg

26

<210> 24

<211> 26

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Description of Artificial Sequence:Artificially
Synthesized Primer Sequence

<400> 24

cgaaggTTTT gtcgagcaac aagagg

26

<210> 25

<211> 26

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Description of Artificial Sequence:Artificially
Synthesized Primer Sequence

<400> 25

tcggacggaa acagcacttg tattcc

26

<210> 26

<211> 26

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Description of Artificial Sequence:Artificially
Synthesized Primer Sequence

<400> 26

ggaatacaag tgctgtttcc gtccga

26

<210> 27

<211> 28

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Description of Artificial Sequence:Artificially
Synthesized Primer Sequence

<400> 27

cggaaactgc acggccattc ccatccca

28

<210> 28

<211> 28

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Description of Artificial Sequence:Artificially
Synthesized Primer Sequence

<400> 28

tgggatggga atggccgtgc agtttccg

28

<210> 29

<211> 28

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Description of Artificial Sequence:Artificially
Synthesized Primer Sequence

<400> 29

accaattttc tttgcgcttt gggtatac

28

<210> 30

<211> 28

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Description of Artificial Sequence:Artificially
Synthesized Primer Sequence

<400> 30

gtatacccaa agcgcaaaga aaattggt

28

<210> 31

<211> 30

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Description of Artificial Sequence:Artificially
Synthesized Primer Sequence

<400> 31

ccttcggacg gaaacagcac ggccattccc

30

<210> 32

<211> 30

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Description of Artificial Sequence:Artificially
Synthesized Primer Sequence

<400> 32

gggaatggcc gtgctgtttc cgtccgaagg

30

<210> 33

<211> 25

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Description of Artificial Sequence:Artificially
Synthesized Primer Sequence

<400> 33

tttccctctt gtagctcgac aaaac

25

<210> 34

<211> 25

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Description of Artificial Sequence:Artificially

Synthesized Primer Sequence

<400> 34

gttttgtcga gctacaagag ggaaa

25

<210> 35

<211> 25

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Description of Artificial Sequence:Artificially
Synthesized Primer Sequence

<400> 35

atgtttccct cttctagctc gacaa

25

<210> 36

<211> 25

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Description of Artificial Sequence:Artificially
Synthesized Primer Sequence

<400> 36

ttgtcgagct agaagaggga aacat

25

【図面の簡単な説明】**【図 1】**

本発明に係る中空ナノ粒子を構成する H B s A g L タンパク質であって、Cys 残基が置換される前の状態のタンパク質の概略模式図である。

【図 2】

本発明に係る中空ナノ粒子を構成する H B s A g S タンパク質であって、Cys 残基が置換される前の状態のタンパク質のアミノ酸配列を示す図である。

【図 3】

本発明に係る中空ナノ粒子を構成する H B s A g L タンパク質をコードする遺伝子プラスミドの作成方法を示した図である。

【図 4】

本発明に係る中空ナノ粒子を構成する H B s A g タンパク質の 1 次構造を直線で表した模式図であり、(a) は Cys 残基を 1 箇所置換した H B s A g タンパク質を、(b) は 2 ヶ所以上置換した H B s A g タンパク質を示している。

【図 5】

本発明に係る中空ナノ粒子の抗原性を野生型を 1 0 0 として算出した相対値として示した図面である。

【図 6】

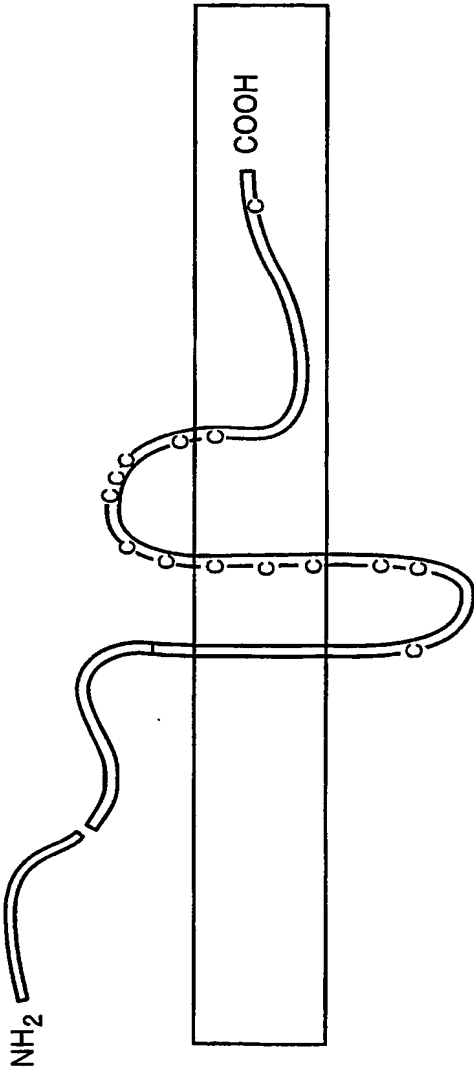
本発明に係る H B s A g 粒子を還元条件((a)～(d))、または非還元条件((e)～(h))でウェスタンブロッティングした電気泳動写真を示す図面である。

【図 7】

本発明に係る H B s A g 粒子を用いて H e p G 2 細胞へ遺伝子を導入した場合の導入効率を示す図面である。

【書類名】 図面

【図 1】



mrslililvc flplaalgav roqmgtnlsv enplgffpdh qlddpafgans nnpdwdfnpn 60	
secretion signal	Pres1
kdqpeanqv gagafgpgft pphgllgms poaqgiltv paappastn rosgrotpi 120	
spplrdshpq amqwnsttth qalldprvrg lefpagcsss gtvnpvftta spisgdpapn 180	
	Pres2
menttsgrlg pllvlaqgff lltrilatiq sldsmwtsln flggaptcpq qnsqsptsnh 240	
* * *	*
sptscppicr gyrmclrrf iiflfilllc lifllvldy qgmplvcpll pgtststgtp 300	
* * *	*
ckttctipaog tsmfppccct kpsdgnctci pipssnafar flwewasvrf swlsllvpfv 360	
	*
qwfvglsptv wlsviwmmy wgpslynls pflpllpiff ciwvvi 406	

【図 2】

Met Glu Asn Thr Thr Ser Gly Phe Leu Gly Pro Leu Leu Val Leu Gln
1

Ala Gly Phe Phe Leu Leu Thr Arg Ile Leu Thr Ile Pro Gln Ser Leu

Asp Ser Trp Trp Thr Ser Leu Asn Phe Leu Gly Gly Ala Pro Thr Cys
48

Pro Gly Gln Asn Ser Gln Ser Pro Thr Ser Asn His Ser Pro Thr Ser

Cys Pro Pro Ile Cys Pro Gly Tyr Arg Trp Met Cys Leu Arg Arg Phe
65 69 76

Ile Ile Phe Leu Phe Ile Leu Leu Leu Cys Leu Ile Phe Leu Leu Val
90

Leu Leu Asp Tyr Gln Gly Met Leu Pro Val Cys Pro Leu Leu Pro Gly
107

Thr Ser Thr Thr Ser Thr Gly Pro Cys Lys Thr Cys Thr Ile Pro Ala
121 124

Gln Gly Thr Ser Met Phe Pro Ser Cys Cys Cys Thr Lys Pro Ser Asp
137 138 139

Gly Asn Cys Thr Cys Ile Pro Ile Pro Ser Ser Trp Ala Phe Ala Arg
147 149

Phe Leu Trp Glu Trp Ala Ser Val Arg Phe Ser Trp Leu Ser Leu Leu

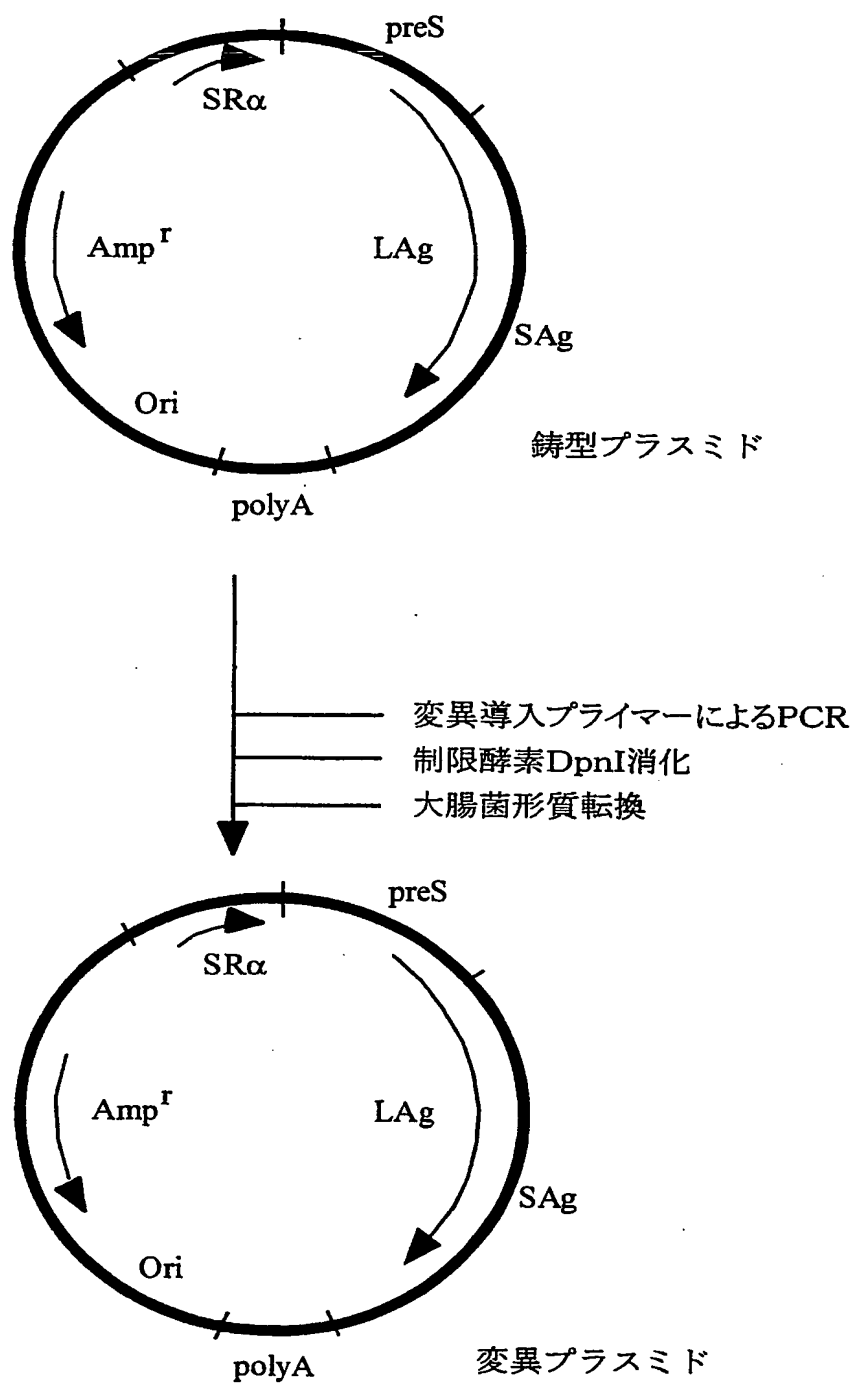
Val Pro Phe Val Gln Trp Phe Val Gly Leu Ser Pro Thr Val Trp Leu

Ser Val Ile Trp Met Met Trp Tyr Trp Gly Pro Ser Leu Tyr Asn Ile

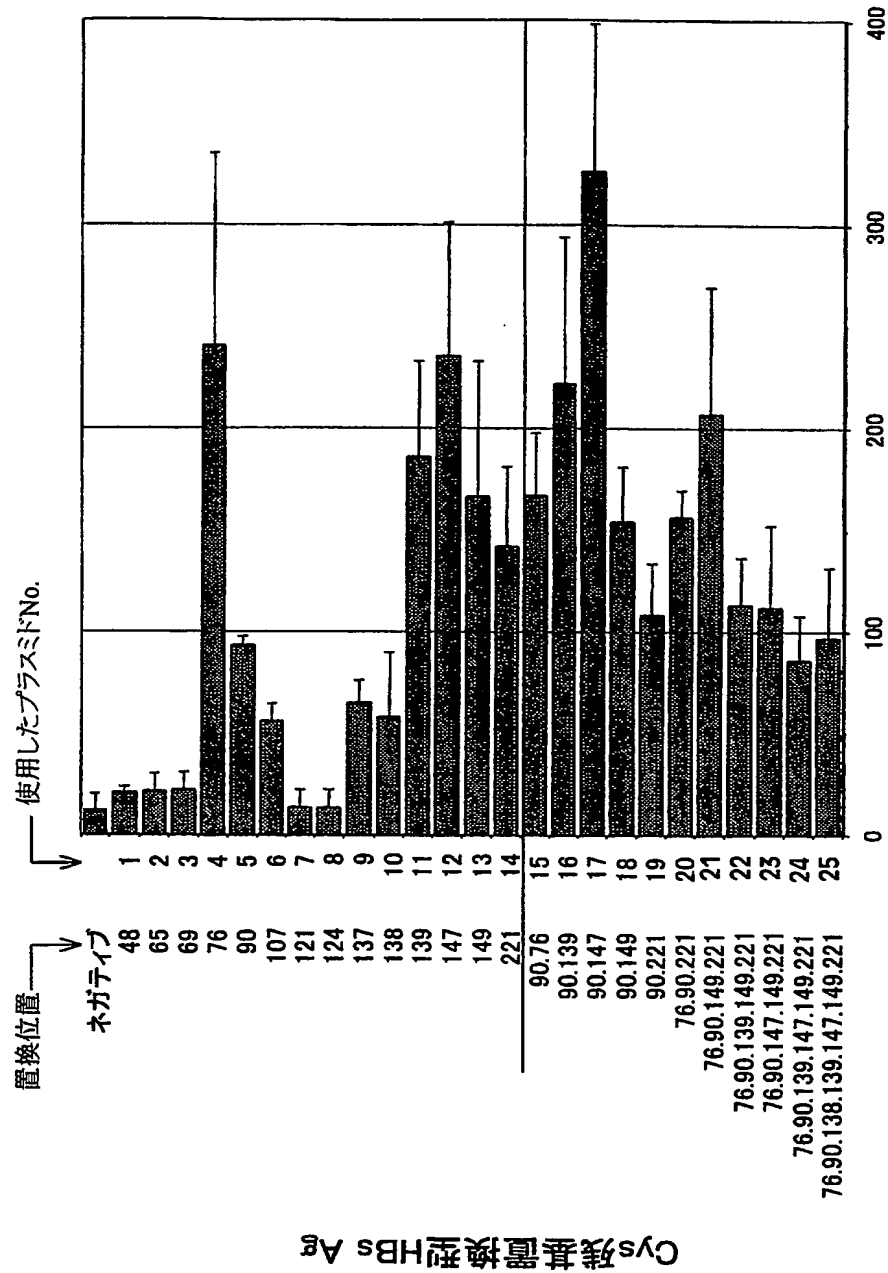
Leu Ser Pro Phe Leu Pro Leu Leu Pro Ile Phe Phe Cys Leu Trp Val
221

Tyr Ile
226

【図3】

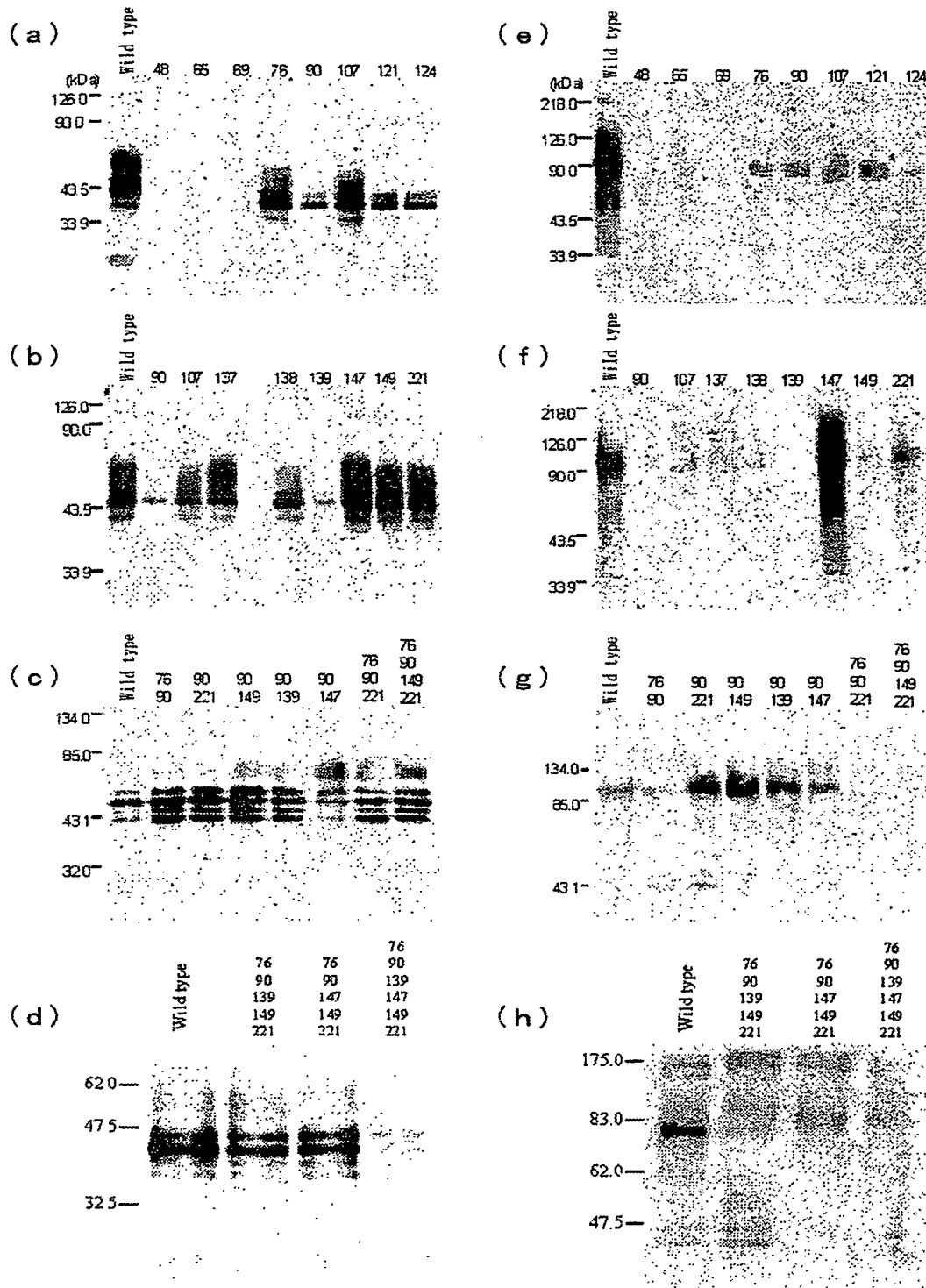


【図 5】



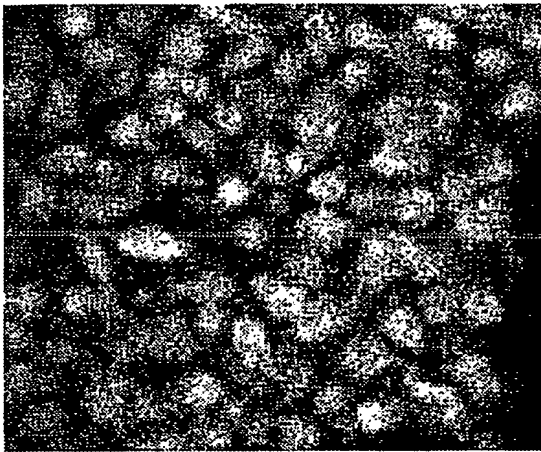
HBs Ag野生型を100としたときの粒子抗原性の相対値(%)

【図 6】

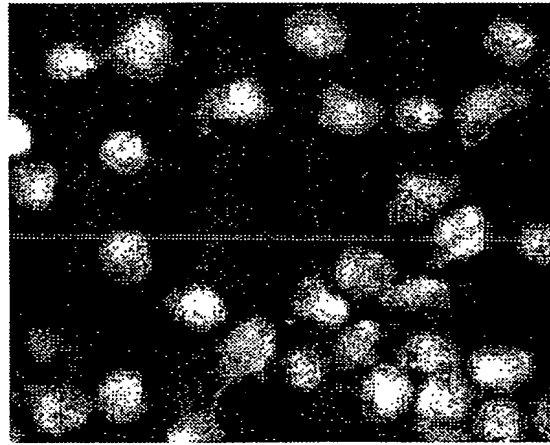


【図 7】

(a)



(b)



【書類名】 要約書

【要約】

【課題】 目的の細胞や組織に特異的に物質を導入する中空ナノ粒子であって、粒子構造を安定化し、効率よく物質導入することができる中空ナノ粒子、およびこれを用いた薬剤を提供する。

【解決手段】 肝細胞などの特定の細胞に対する認識能を有し、粒子形成能を有するタンパク質（例えば、B型肝炎ウイルス表面抗原タンパク質）からなる中空ナノ粒子において、当該タンパク質のシステイン残基を他のアミノ酸に置換した中空ナノ粒子である。

【選択図】 なし

特願 2002-191386

出 願 人 履 歴 情 報

識別番号

[396020800]

1. 変更年月日

1998年 2月24日

[変更理由]

名称変更

住 所

埼玉県川口市本町4丁目1番8号

氏 名

科学技術振興事業団